

Evolutionäre Algorithmen: Standardalgorithmen

Karsten Weicker

HTWK Leipzig

5. Januar 2013

Überblick

- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionsstrategie
- 3 Evolutionäres Programmieren
- 4 Genetisches Programmieren
- 5 Lokale Suchverfahren

Überblick

- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionsstrategie
- 3 Evolutionäres Programmieren
- 4 Genetisches Programmieren
- 5 Lokale Suchverfahren

Genetische Algorithmen

Grundkonzept

- Primärer Operator: Rekombination
- Hintergrundoperator: Mutation
- Elternselektion: fitnessproportional

Ausprägungen

- ursprünglich: binäre Kodierung
- später auch: reellwertige Zahlen, Permutationen

Typische Parameterwerte

Parameter	Wertebereich
Populationsgröße:	30–100
Rekombinationswahrscheinlichkeit:	0,6–0,9
Mutationsrate:	0,001–0,01, $\frac{1}{l}$

Verallgemeinerung des 1-Punkt-Crossovers

K-PUNKT-CROSSOVER(Individuum A , Individuum B)

```

1  for  $m \in \{1, \dots, k\}$ 
2  do  $\lceil j_m \leftarrow$  wähle Zufallszahl gemäß  $U(\{1, \dots, l-1\})$ 
3  sortiere  $j_1, \dots, j_k$  so, dass  $j_1 \leq j_2 \leq \dots \leq j_k$ 
4   $j_0 \leftarrow 0$ 
5   $j_{k+1} \leftarrow l$ 
6  for  $m \in \{0, \dots, k\}$ 
7  do  $\lceil$  if  $m \bmod 2 = 0$ 
8      then  $\lceil$  for  $i \in \{j_m + 1, \dots, j_{m+1}\}$ 
9          do  $\lceil$   $C_i \leftarrow A_i$ 
10          $\lceil$   $D_i \leftarrow B_i$ 
11      else  $\lceil$  for  $i \in \{j_m + 1, \dots, j_{m+1}\}$ 
12          do  $\lceil$   $C_i \leftarrow B_i$ 
13          $\lceil$   $D_i \leftarrow A_i$ 
14 return  $C, D$ 

```

Implementationsdetail: Mutation

EFFIZIENTE-BINÄRE-MUTATION(Individuum A mit $A.G \in \mathbb{B}^l$)

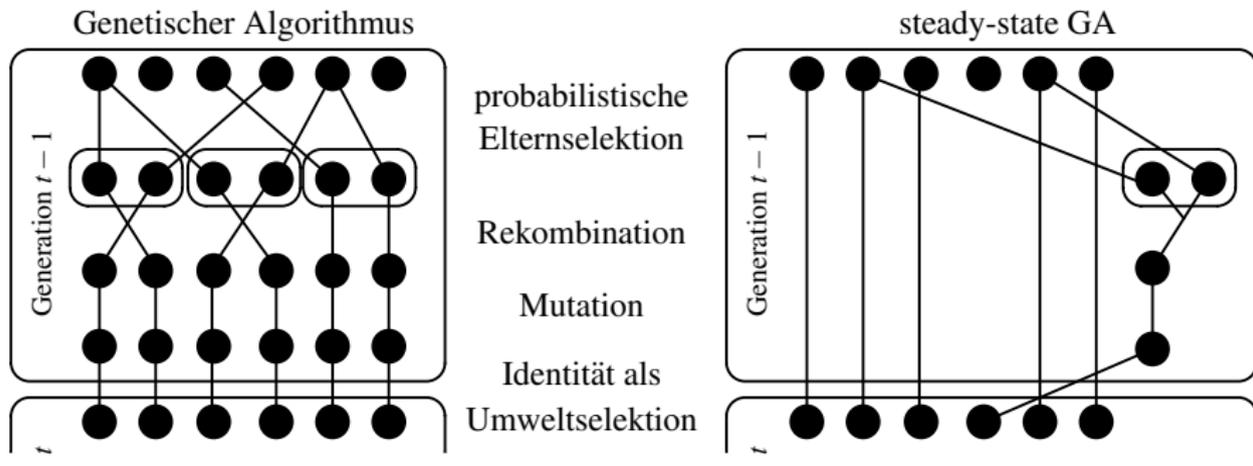
```
1  $B \leftarrow A$ 
2 while  $next$  (Abstand zur nächsten Mutation)  $\leq l$ 
3 do  $\lceil B_{next} \leftarrow 1 - A_{next}$ 
4      $u \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U([0, 1])$ 
5      $\lfloor next \leftarrow next + \left\lfloor \frac{\ln(u)}{\ln(1-p_m)} \right\rfloor$ 
6  $next \leftarrow next - l$ 
7 return  $B$ 
```

Überlappende Population

STEADY-STATE-GA(Zielfunktion F)

- 1 $t \leftarrow 0$
- 2 $P(t) \leftarrow$ erzeuge Population mit μ (Populationsgröße) Individuen
- 3 bewerte $P(t)$ durch F
- 4 **while** Terminierungsbedingung nicht erfüllt
- 5 **do** $\langle A, B \rangle \leftarrow$ Selektion aus $P(t)$ mittels FITNESSPROPORTIONALE-SELEKTION
- 6 $u \leftarrow$ wähle Zufallszahl gemäß $U([0, 1])$
- 7 **if** $u \leq p_x$ (Crossover-Wahrscheinlichkeit)
- 8 **then** $C \leftarrow$ EIN-PUNKT-CROSSOVER(A, B)
- 9 **else** $C \leftarrow B$
- 10 $C \leftarrow$ BINÄRE-MUTATION(C)
- 11 $C.F \leftarrow$ bewerte C durch F
- 12 $P' \leftarrow$ entferne das schlechteste Individuum aus $P(t)$
- 13 $t \leftarrow t + 1$
- 14 $P(t) \leftarrow P' \circ \langle C \rangle$
- 15 **return** bestes Individuum aus $P(t)$

Ablauf des genetischen Algorithmuses



Reellwertige GAs

Besonderheiten

- Kodierungsprobleme (Hamming-Klippen) werden vermieden
- Standard-Crossover-Operatoren (uniform und k -Punkt) können nicht alle Punkte im Suchraum erreichen
- Daher: Arithmetischer Crossover
- Mutation: keine Gauß-Mutation

Creep Mutation

GLEICHVERTEILTE-REELLWERTIGE-MUTATION(Individuum A)

```
1  for  $i \in \{1, \dots, l\}$ 
2  do  $\lceil u \leftarrow$  wähle Zufallszahl gemäß  $U([0, 1])$ 
3      if  $u \leq p_m$  (Mutationswahrscheinlichkeit)
4      then  $\lceil unten \leftarrow \max\{ug_i, A_i - x$  (maximale Schrittweite)
5               $oben \leftarrow \min\{og_i, A_i + x \}$ 
6           $\lfloor \lfloor B_i \leftarrow$  wähle Zufallszahl gemäß  $U([unten, oben])$ 
7  return  $B$ 
```

Kombinatorische GAs

Operatoren

- invertierende Mutation
- vertauschende Mutation
- neu: verschiebende Mutation
- neu: mischende Mutation
- Ordnungsrekombination
- Kantenrekombination
- neu: Abbildungsrekombination

Verschiebende Mutation

VERSCHIEBENDE-MUTATION(Individuum A mit $A.G \in \mathcal{S}_l$)

```
1   $B \leftarrow A$ 
2   $u_1 \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, l\})$ 
3   $u_2 \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, l\})$ 
4   $B_{u_2} \leftarrow A_{u_1}$ 
5  if  $u_1 > u_2$ 
6  then  $\lceil$  for  $j \in \{u_2, \dots, u_1 - 1\}$ 
7          $\lfloor$  do  $\lceil B_{j+1} \leftarrow A_j$ 
8  else  $\lceil$  for  $j \in \{u_1 + 1, \dots, u_2\}$ 
9          $\lfloor$  do  $\lceil B_{j-1} \leftarrow A_j$ 
10 return  $B$ 
```

Mischende Mutation

MISCHENDE-MUTATION(Individuum A mit $A.G \in \mathcal{S}_l$)

```
1  $B \leftarrow A$ 
2  $u_1 \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, l\})$ 
3  $u_2 \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, l\})$ 
4 if  $u_1 > u_2$ 
5 then  $\square$  vertausche  $u_1$  und  $u_2$ 
6  $\pi \leftarrow$  wähle zufällig aus  $U(\mathcal{S}_{u_2-u_1+1})$ 
7 for  $j \in \{1, \dots, u_2 - u_1 + 1\}$ 
8 do  $\square$   $B_{u_1+j-1} \leftarrow A_{u_1+\pi(j)-1}$ 
9 return  $B$ 
```

ABBILDUNGSREKOMBINATION(Individuen A, B mit $A.G, B.G \in \mathcal{S}_l$)

```
1  for each  $i \in \{1, \dots, l\}$ 
2  do  $\lceil g(A_i) \leftarrow B_i$ 
3   $u_1 \leftarrow$  wähle Zufallszahl gemäß  $U(\{2, \dots, l-1\})$ 
4   $u_2 \leftarrow$  wähle Zufallszahl gemäß  $U(\{2, \dots, l-1\})$ 
5  if  $u_2 < u_1$ 
6  then  $\lceil$  vertausche  $u_1$  und  $u_2$ 
7   $benutzt \leftarrow \emptyset$ 
8  for each  $i \in \{u_1, \dots, u_2\}$ 
9  do  $\lceil C_i \leftarrow B_i$ 
10    $\lceil benutzt \leftarrow benutzt \cup \{B_i\}$ 
11 for  $i \leftarrow 1, \dots, u_1 - 1, u_2 + 1, \dots, l$ 
12 do  $\lceil x \leftarrow A_i$ 
13   while  $x \in benutzt$ 
14   do  $\lceil x \leftarrow g(x)$ 
15    $C_i \leftarrow x$ 
16    $\lceil benutzt \leftarrow benutzt \cup \{x\}$ 
17 return  $C$ 
```

Überblick

- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionstrategie**
- 3 Evolutionäres Programmieren
- 4 Genetisches Programmieren
- 5 Lokale Suchverfahren

Evolutionstrategie

Grundsätzliches

- uniforme Wahl der Eltern
- $\mathcal{G} = \mathbb{R}^l$
- Gauß-Mutation mit Anpassung von σ
- zunächst keine Rekombination
- (Umwelt-)Selektion der Besten

Evolutionstrategie

Notationen

- (μ, λ) -ES: Selektion nur aus Kindern
- $(\mu + \lambda)$ -ES: Selektion aus Kindern und Eltern

Implementationsdetails

- Selektion durch Sortieren: $\mathcal{O}(\lambda \log \lambda)$
- Selektion durch Heap mit Delete-Min:
 $\mathcal{O}(\lambda + \mu \log \lambda)$

ES-ADAPTIV(Zielfunktion F)

```

1   $t \leftarrow 0$ 
2   $\sigma \leftarrow$  Wert für Anfangsschrittweite
3   $s \leftarrow 0$ 
4   $P(t) \leftarrow$  erzeuge Population mit  $\mu$  (Populationsgröße) Individuen
5  bewerte  $P(t)$  durch  $F$ 
6  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
7  do  $\lceil P' \leftarrow \langle \rangle$ 
8      for  $i \in \{1, \dots, \lambda\}$ 
9      do  $\lceil A \leftarrow$  selektiere Elter uniform zufällig aus  $P(t)$ 
10          $C \leftarrow$  GAUSS-MUTATION( $A$ ) mit  $\sigma$ 
11         bewerte  $C$  durch  $F$ 
12         if  $C.F \succ A.F$ 
13         then  $\lceil s \leftarrow s + 1$ 
14              $\lceil P' \leftarrow P' \circ \langle C \rangle$ 
15      $t \leftarrow t + 1$ 
16     if  $t \bmod k$  (Modifikationshäufigkeit) = 0
17     then  $\lceil \sigma \leftarrow$  ADAPTIVE-ANPASSUNG( $\sigma, \frac{s}{k\lambda}$ )
18          $\lceil s \leftarrow 0$ 
19      $\lceil P(t) \leftarrow$  Selektion aus  $P'$  mittels BESTEN-SELEKTION
20 return bestes Individuum aus  $P(t)$ 

```

Mit Selbstadaptation

ES-SELBSTADAPTIV(Zielfunktion F)

```

1   $t \leftarrow 0$ 
2   $P(t) \leftarrow$  erzeuge Population mit  $\mu$  (Populationsgröße) Individuen
3  bewerte  $P(t)$  durch  $F$ 
4  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
5  do  $\lceil P' \leftarrow \langle \rangle$ 
6      for  $i \in \{1, \dots, \lambda$  (Anzahl der Kinder)  $\}$ 
7      do  $\lceil A \leftarrow$  selektiere Elter uniform zufällig aus  $P(t)$ 
8           $B \leftarrow$  SELBSTADAPTIVE-GAUSS-MUTATION( $A$ )
9           $\lfloor P' \leftarrow P' \circ \langle B \rangle$ 
10     bewerte  $P'$  durch  $F$ 
11      $t \leftarrow t + 1$ 
12      $\lfloor P(t) \leftarrow$  Selektion aus  $P'$  mittels BESTEN-SELEKTION
13 return bestes Individuum aus  $P(t)$ 

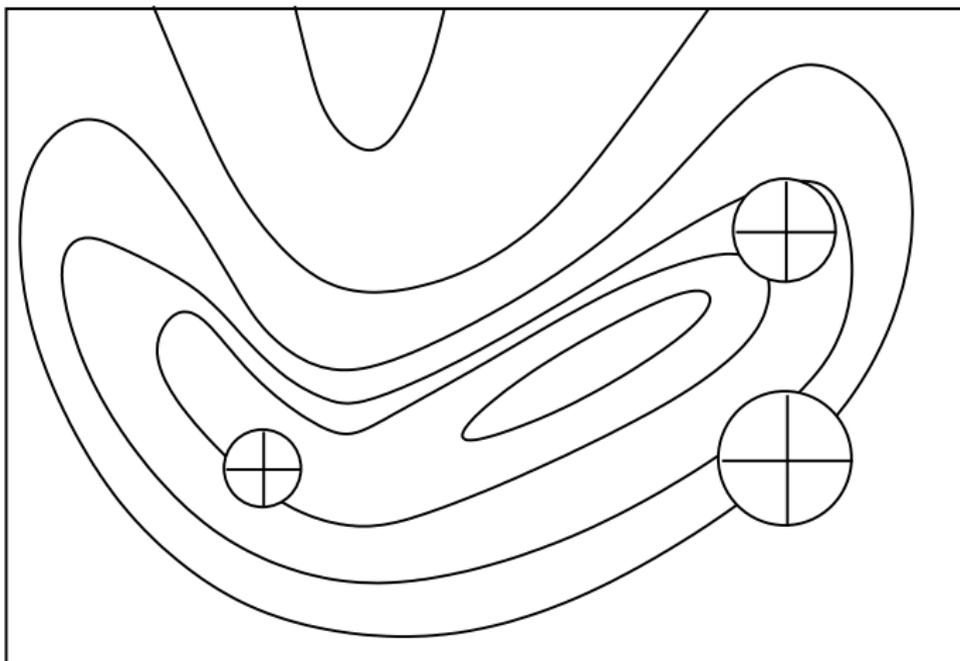
```

Mutation mit Selbstadaptation (Wdhg)

SELBSTADAPTIVE-GAUSS-MUTATION(Individuum A)

- 1 $u \leftarrow \mathcal{N}(0, 1)$
- 2 $B.S \leftarrow A.S e^{\frac{1}{\sqrt{l}} u}$
- 3 **for** $i \in \{1, \dots, l\}$
- 4 **do** $\lceil u_i \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $\mathcal{N}(0, B.S)$
- 5 $B_i \leftarrow A_i + u_i$
- 6 $B_i \leftarrow \max\{B_i, ug_i$ (untere Wertebereichsgrenze) $\}$
- 7 $\lfloor B_i \leftarrow \min\{B_i, og_i$ (obere Wertebereichsgrenze) $\}$
- 8 **return** B

Problem angepasster Schrittweiten

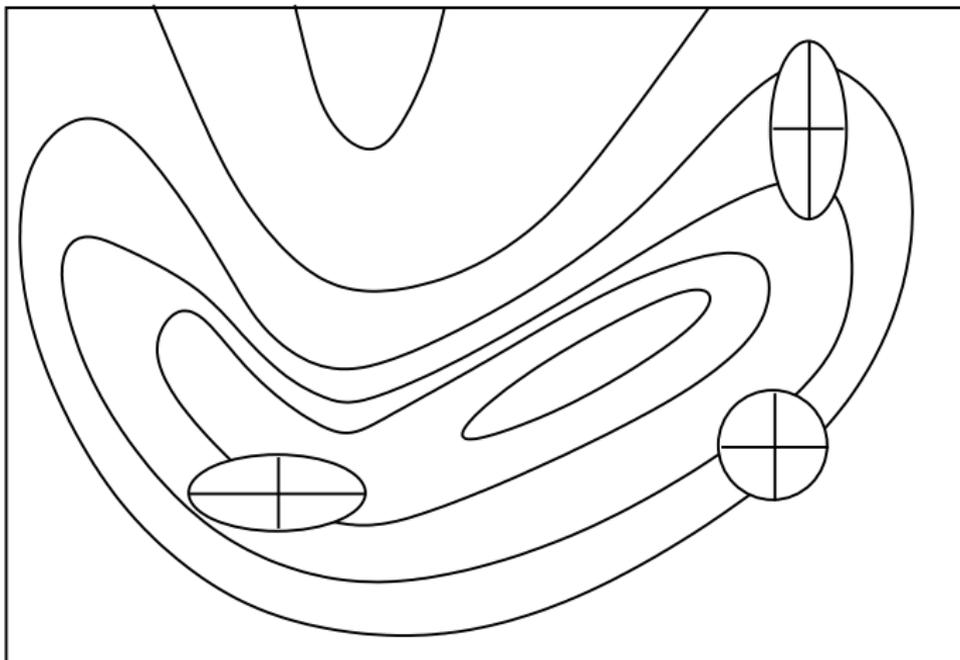


Separate Schrittweiten

Idee

- jede Suchraumdimension erhält eigenen Schrittweitenparameter
- $\mathcal{Z} = (\mathbb{R}^+)^l$
- zufällige Veränderungen aus gemeinsamer und individueller Komponente
- $B.S_i \leftarrow A.S_i \cdot \exp\left(\frac{1}{\sqrt{2l}}u + \frac{1}{\sqrt{2}\sqrt{l}}u'_i\right)$
mit $u, u_1, \dots, u_l \sim \mathcal{N}(0, 1)$
- Dann analog: $B.G_i \leftarrow A.G_i + \mathcal{N}(0, B.S_i)$

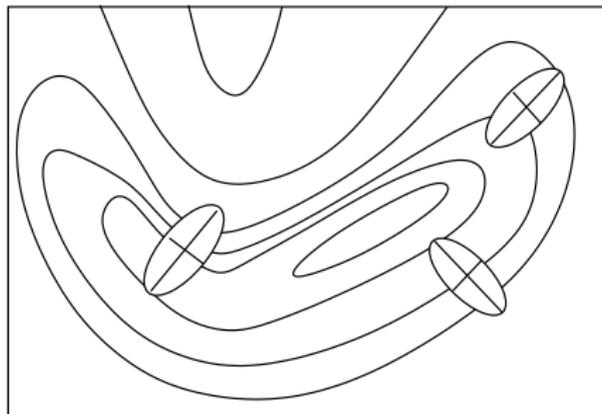
Besser angepasste Schrittweiten



Zusätzliche Ausrichtung im Raum

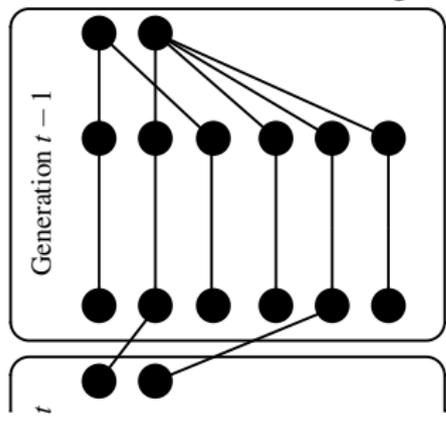
Idee

- beliebige Orientierung durch weitere $\frac{1}{2} \cdot l \cdot (l - 1)$ Strategieparameter

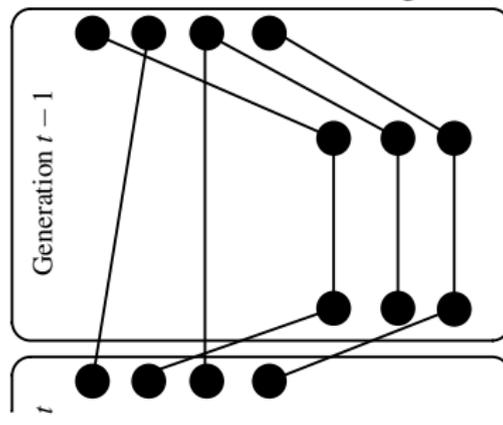


Ablauf der Evolutionstrategie

Komma-Evolutionsstrategie



Plus-Evolutionsstrategie



Rekombination

Operatoren

- uniformer Crossover
- arithmetischer Crossover
- aber auch: globale Varianten mit mehr Eltern
- häufig: global arithmetisch auf Strategieparametern, uniform auf Objektvariablen

Notation

- $(\mu/r \pm \lambda)$ -ES mit Anzahl der Eltern r pro Rekombination

Globale Rekombination

GLOBALER-ARITHMETISCHER-CROSSOVER (Population $P = \langle A^{(k)} \rangle_{1 \leq k \leq \mu}$)

- 1 **for** $i \in \{1, \dots, l\}$
- 2 **do** $B.G_i \leftarrow \frac{1}{\mu} \cdot \sum_{k=1}^{\mu} A^{(k)}.G_i$
- 3 **return** B

Typische Parameter für die Komma-ES

Parameter	Wertebereich
Populationsgröße μ :	1–30
Kindindividuen pro Generation:	$5 \cdot \mu - 7 \cdot \mu$ (Komma) sonst ≥ 1
Rekombinationsrate:	0,0–1,0

Derandomisierte ES

Problem

- große Unsicherheit bei indirekter Bewertung der Strategieparameter
- verkleinertes σ führt nur in Erwartung zu einem kleineren Schritt

Idee

- $(\mu/\mu, \lambda)$ -ES mit globalem σ
- σ wird durch echte Schrittlänge der μ besten Kindindividuen angepasst
- Lernmechanismus: Lernrate $c = \frac{1}{\sqrt{l}}$ und Dämpfungsfaktor $d = \sqrt{l}$

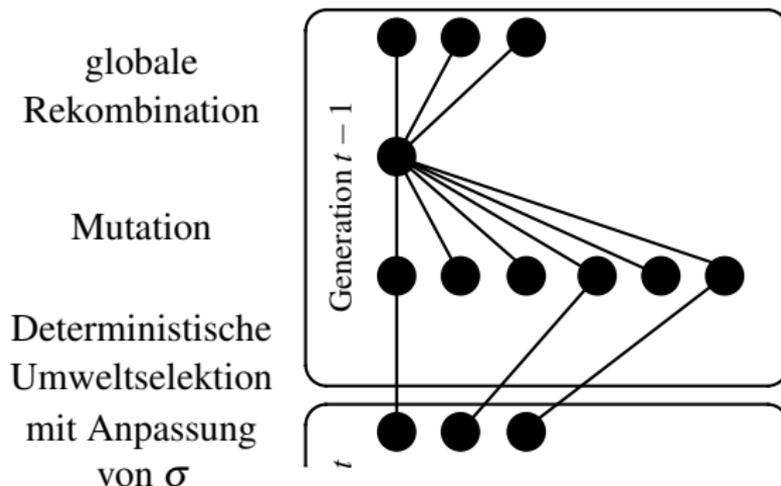
DERANDOMISIERTE-ES(Zielfunktion $F : \mathbb{R}^l \rightarrow \mathbb{R}$)

```

1   $t \leftarrow 0$ 
2   $P(t) \leftarrow$  erzeuge Population mit  $\mu$  (Populationsgröße) Individuen
3   $s^{(t)} \leftarrow (0, \dots, 0) \in \mathbb{R}^l$ 
4  initialisiere  $\sigma^{(t)}$  (globaler Schrittweitenparameter)
5  bewerte  $P(t)$  durch  $F$ 
6  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
7  do  $\lceil B \leftarrow$  GLOBALER-ARITHMETISCHER-CROSSOVER( $P(t)$ )
8      $P' \leftarrow \langle \rangle$ 
9     for  $i \in \{1, \dots, \lambda$  (Anzahl der Kinder)  $\}$ 
10    do  $\lceil C \leftarrow$  GAUSS-MUTATION( $B$ ) mit  $\sigma^{(t)}$ 
11        $P' \leftarrow P' \circ \langle C \rangle$ 
12        $\lfloor z^{(i)} \leftarrow C.G - B.G \in \mathbb{R}^l$ 
13     bewerte  $P'$  durch  $F$ 
14      $t \leftarrow t + 1$ 
15      $Indizes \leftarrow$  BESTEN-SELEKTION für Individuen in  $P'$ 
16      $P(t) \leftarrow$  Selektion aus  $P'$  gemäß  $Indizes$ 
17      $\bar{z} \leftarrow \frac{1}{\mu} \cdot \sum_{j \in Indizes} z^{(j)}$ 
18      $s^{(t)} \leftarrow (1 - c$  (Lernfaktor)  $) \cdot s^{(t-1)} + \sqrt{c \cdot (2 - c) \cdot \mu} \cdot \bar{z}$ 
19      $\lfloor \sigma^{(t)} \leftarrow \sigma^{(t-1)} \cdot \exp\left(\frac{\|s^{(t)}\|^2 - l}{2 \cdot D \cdot l}\right)$  (mit Dämpfungsfaktor  $D$ )
20 return bestes Individuum aus  $P(t)$ 

```

Ablauf der derandomisierten ES



Überblick

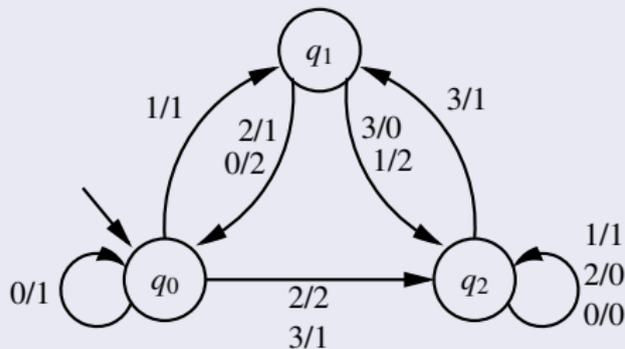
- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionsstrategie
- 3 Evolutionäres Programmieren**
- 4 Genetisches Programmieren
- 5 Lokale Suchverfahren

Evolutionäres Programmieren

Motivation

- Prognoseaufgaben
- zunächst: endliche Automaten
- später: neuronale Netze

Beispiel



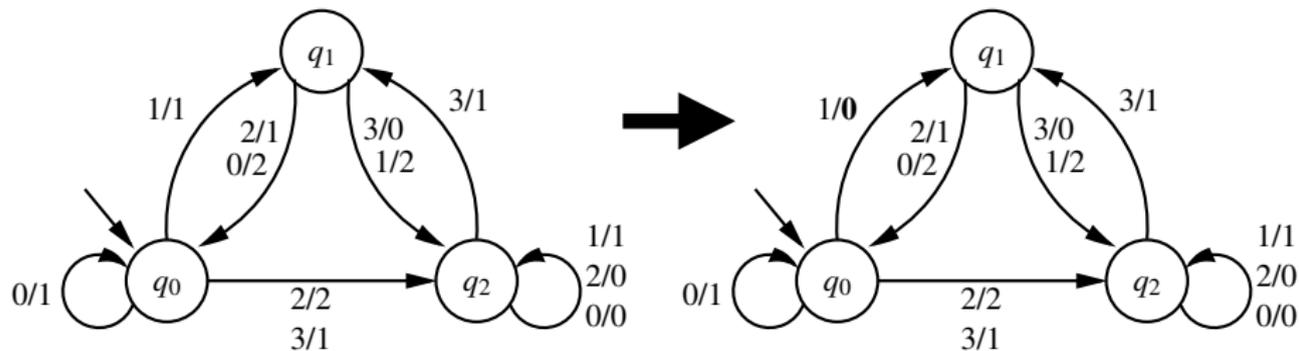
EP-Mutationen

Mutation der Ausgabe

AUTOMATENMUTATION-AUSGABE(Individuum A mit $A.G$)

- 1 $\gamma' \leftarrow \gamma$
- 2 $q \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q)$
- 3 $a \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\Sigma)$
- 4 $a' \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\Sigma)$
- 5 $\gamma'(q, a) \leftarrow a'$
- 6 **return** B mit $B.G = (Q, \delta, \gamma', q_0)$

EP-Mutationen



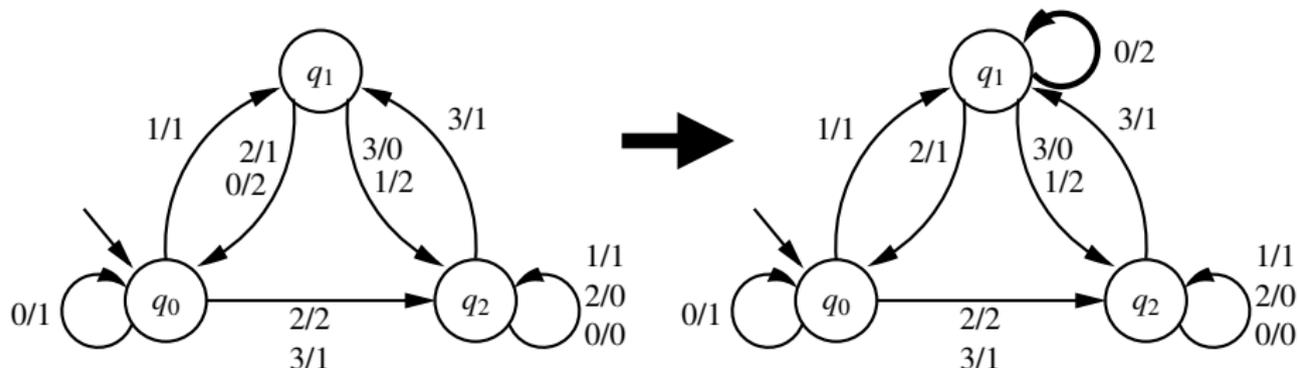
EP-Mutationen

Mutation des Folgezustands

AUTOMATENMUTATION-FOLGEZUSTAND(Individuum A)

- 1 $\delta' \leftarrow \delta$
- 2 $q \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q)$
- 3 $p \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q)$
- 4 $a \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\Sigma)$
- 5 $\delta'(q, a) \leftarrow p$
- 6 **return** B mit $B.G = (Q, \delta', \gamma, q_0)$

EP-Mutationen



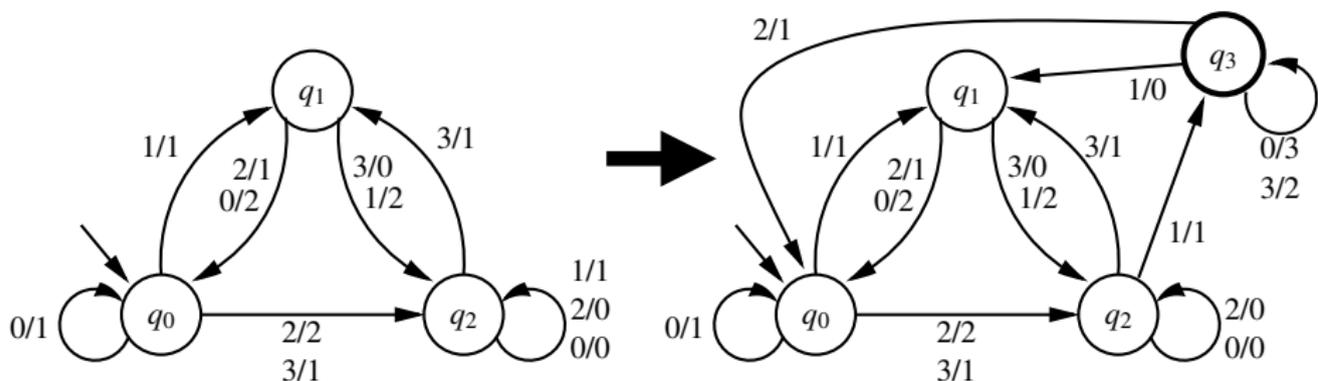
EP-Mutationen

Mutation: Neuer Zustand

AUTOMATENMUTATION-NEUER-ZUSTAND(Individuum A mit $A.G =$

- 1 $Q' \leftarrow Q \dot{\cup} \{p\}$
- 2 $\delta' \leftarrow \delta$
- 3 $\gamma' \leftarrow \gamma$
- 4 **for each** $a \in \Sigma$
- 5 **do** $\lceil q \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q')$
- 6 $\delta'(p, a) \leftarrow q$
- 7 $a' \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\Sigma)$
- 8 $\lfloor \gamma'(p, a) \leftarrow a'$
- 9 $q \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q')$
- 10 $a \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\Sigma)$
- 11 $\delta'(q, a) \leftarrow p$
- 12 **return** B mit $B.G = (Q', \delta', \gamma', q_0)$

EP-Mutationen



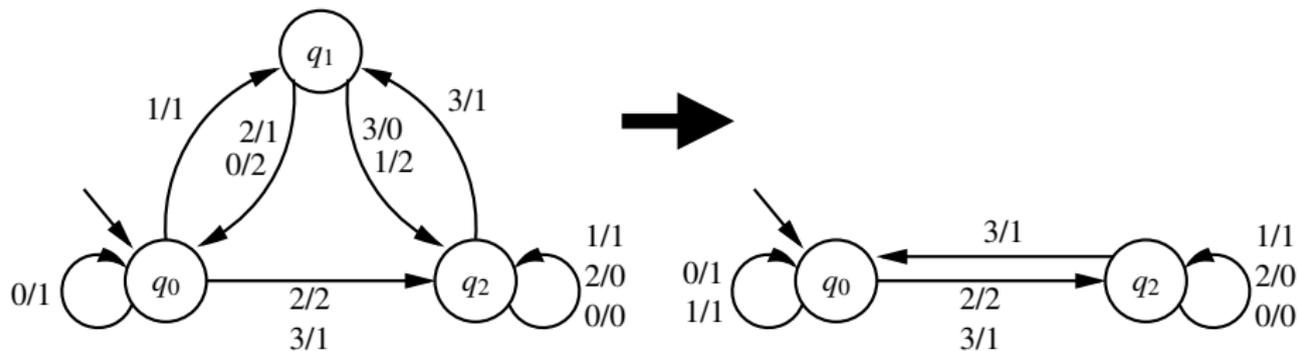
EP-Mutationen

Mutation: Zustand löschen

AUTOMATENMUTATION-ZUSTAND-LÖSCHEN(Individuum A mit $A.G$

- 1 $p \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q \setminus \{q_0\})$
- 2 $Q' \leftarrow Q \setminus \{p\}$
- 3 $\delta' \leftarrow \delta \Big|_{Q' \times \Sigma}$
- 4 $\gamma' \leftarrow \gamma \Big|_{Q' \times \Sigma}$
- 5 **for each** $(q, a) \in Q \times \Sigma$
- 6 **do** \lceil **if** $\delta(q, a) = p$
- 7 **then** $\lceil p' \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q')$
- 8 $\lfloor \delta'(q, a) \leftarrow p'$
- 9 **return** B mit $B.G = (Q', \delta', \gamma', q_0)$

EP-Mutationen



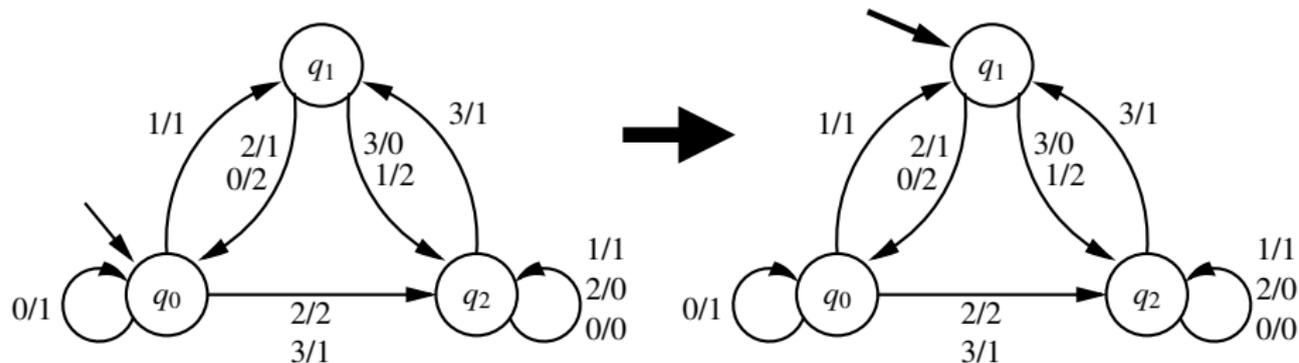
EP-Mutationen

Mutation: Startzustand

AUTOMATENMUTATION-STARTZUSTAND(Individuum A mit

- 1 $q'_0 \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(Q)$
- 2 **return** B mit $B.G = (Q, \delta, \gamma, q'_0)$

EP-Mutationen



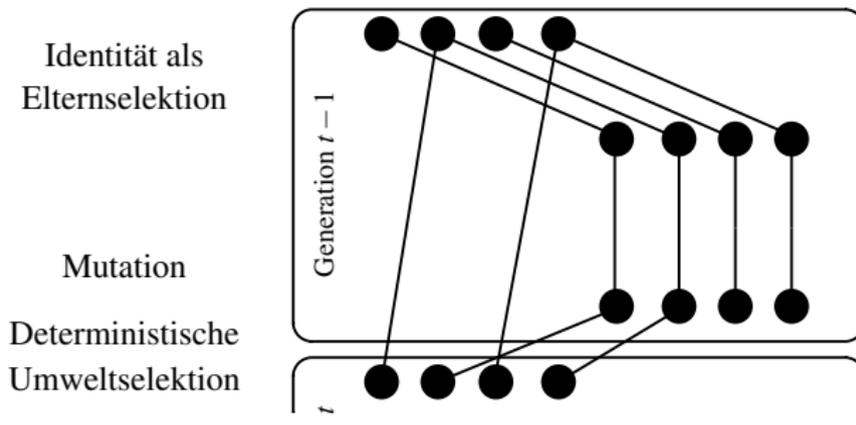
EVOLUTIONÄRES-PROGRAMMIEREN-1960ER(Zielfunktion F)

```

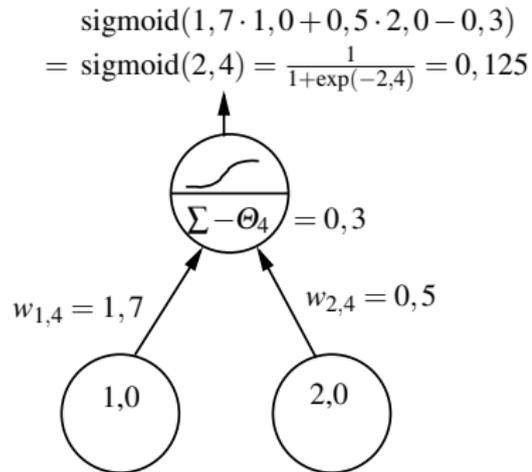
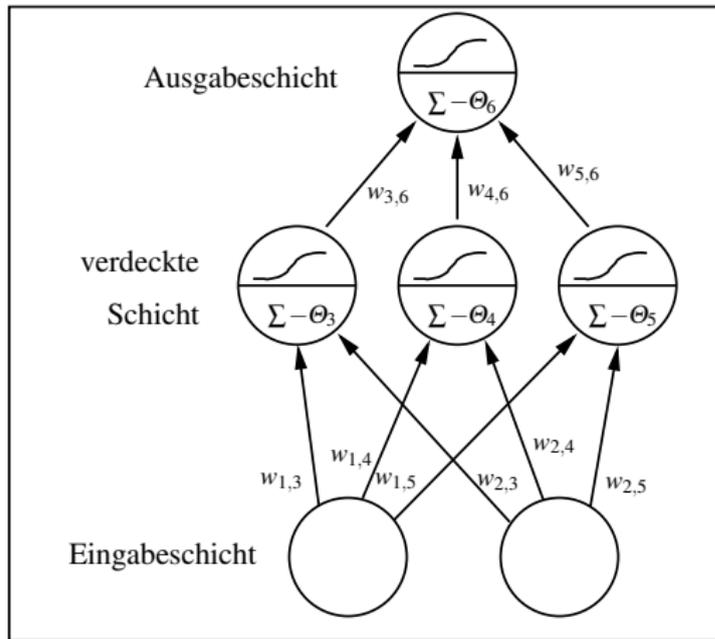
1   $t \leftarrow 0$ 
2   $P(t) \leftarrow$  erzeuge Population mit  $\mu$  (Populationsgröße) Individuen
3  bewerte  $P(t)$  durch  $F$ 
4  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
5  do  $\lceil P' \leftarrow P(t)$ 
6      for  $j \leftarrow 1, \dots, \mu$ 
7      do  $\lceil$  (sei  $P(t) = \langle A^{(i)} \rangle_{1 \leq i \leq \mu}$ )
8           $u \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, 5\})$ 
9          switch
10             case  $u = 1$  :  $B \leftarrow$  AUTOMATENMUTATION-AUSGABE( $A^{(j)}$ )
11             case  $u = 2$  :  $B \leftarrow$  AUTOMATENMUTATION-FOLGEZUSTAND( $A^{(j)}$ )
12             case  $u = 3$  :  $B \leftarrow$  AUTOMATENMUTATION-NEUER-ZUSTAND( $A^{(j)}$ )
13             case  $u = 4$  :  $B \leftarrow$  AUTOMATENMUTATION-ZUSTAND-LÖSCHEN( $A^{(j)}$ )
14             case  $u = 5$  :  $B \leftarrow$  AUTOMATENMUTATION-STARTZUSTAND( $A^{(j)}$ )
15             bewerte  $B$  durch  $F$ 
16              $\lfloor P' \leftarrow P' \circ \langle B \rangle$ 
17              $t \leftarrow t + 1$ 
18              $\lfloor P(t) \leftarrow$  Selektion aus  $P'$  mittels BESTEN-SELEKTION
19 return bestes Individuum aus  $P(t)$ 

```

Ablauf: evolutionäres Programmieren



Neuronale Netze



Modernisiertes EP

Idee

- die Gewichte $w_{i,j}$ und Schwellwerte Θ_i werden als reellwertige Zahlen gespeichert
- $\mathcal{G} = \mathbb{R}^l$
- Mutation mit Gauß-Verteilung
- alternative Selbstanpassung mit / Strategieparametern

Moderne EP-Mutation

SELBSTADAPTIVE-EP-MUTATION(Individuum A mit $A.G \in \mathbb{R}^l$ und

- 1 **for each** $i \in \{1, \dots, l\}$
- 2 **do** $\lceil u' \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $\mathcal{N}(0, A.S_i \cdot \alpha)$ (Anpassungsparameter)
- 3 $B.S_i \leftarrow A.S_i + u'$
- 4 $B.S_i \leftarrow \max\{B.S_i, \varepsilon$ (kleinste Standardabweichung) $\}$
- 5 $u \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $\mathcal{N}(0, A.S_i)$
- 6 $\lfloor B.G_i \leftarrow A.G_i + u$
- 7 **return** B

EVOLUTIONÄRES-PROGRAMMIEREN-1980ER(Zielfunktion F)

```

1   $t \leftarrow 0$ 
2   $P(t) \leftarrow$  erzeuge Population mit  $\mu$  (Populationsgröße) Individuen
3  bewerte  $P(t)$  durch  $F$ 
4  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
5  do  $\lceil P' \leftarrow P(t)$ 
6      for  $i \leftarrow 1, \dots, \mu$ 
7      do  $\lceil$  (sei  $P(t) = \langle A^{(i)} \rangle_{1 \leq i \leq \mu}$ )
8           $B \leftarrow$  REELLWERTIGE-EP-MUTATION( $A^{(i)}$ )
9          bewerte  $B$  durch  $F$ 
10          $\lfloor P' \leftarrow P' \circ \langle B \rangle$ 
11      $t \leftarrow t + 1$ 
12      $\lfloor P(t) \leftarrow$  Selektion aus  $P'$  mittels Q-STUFIGE-TURNIER-SELEKTION
13 return bestes Individuum aus  $P(t)$ 

```

Typische Parameterwerte

Parameter	Wertebereich
Populationsgröße:	20–200, selten bis 500
Anpassungsstärke α :	0,1–0,4, $\frac{1}{\sqrt{t}}$
minimale Standardabweichung ϵ :	10^{-5} – 10^{-3}
Turniergröße:	5–10

Überblick

- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionsstrategie
- 3 Evolutionäres Programmieren
- 4 Genetisches Programmieren**
- 5 Lokale Suchverfahren

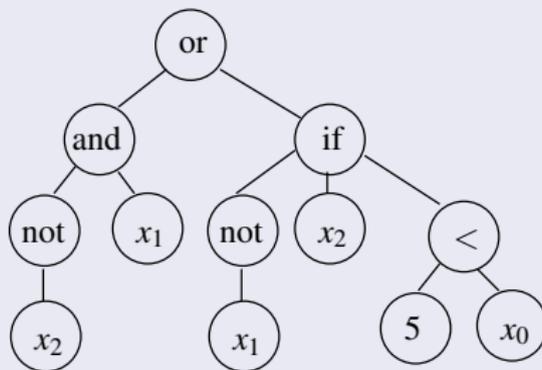
Genetisches Programmieren

Idee

- Computerprogramme werden evolviert
- direkte Darstellung als Syntaxbäume
- anfangs: LISP-Syntax
- später auch: Assembler, Graphen etc.
- immer: Individuen mit variabler Größe
- hier: Bäume in Präfix-Notation
- orientiert am genetischen Algorithmus
- keine Strategieparameter

Beispiel

Syntaxbaum



Präfix-Notation

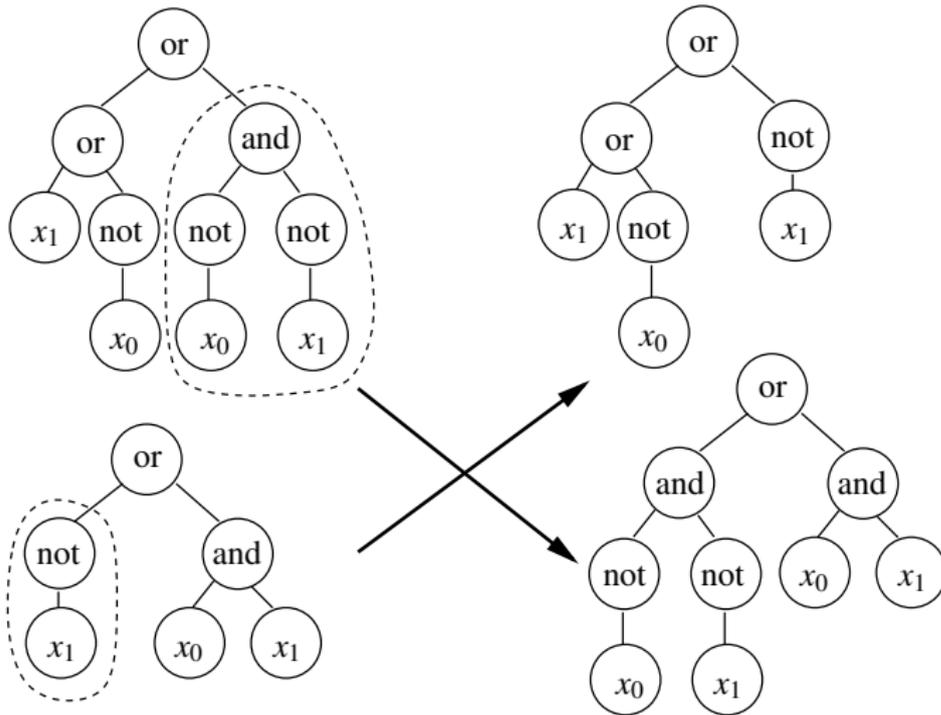
or and not d_2 d_1 if not d_1 d_2 < 5 d_0

GP-Basisoperationen

Basisoperationen

- Entferne($Baum, i$)
- Teilbaum($Baum, i$)
- Erzeugebaum()
- Einfügen($Baum, i, Baum'$)
- Enthalten($Baum, i, j$)
- Größe($Baum$)

Hauptoperator: Rekombination



Hauptoperator: Rekombination

```
BAUMTAUSCH-REKOMBINATION( Individuen  $A, B$  )
1   $i \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, \text{Größe}(A.G)\})$ 
2   $j \leftarrow$  wähle zufällig gemäß  $U(\{1, \dots, \text{Größe}(B.G)\})$ 
3   $C \leftarrow A$ 
4   $D \leftarrow B$ 
5   $Baum \leftarrow$  Teilbaum( $C.G, i$ )
6   $Baum' \leftarrow$  Teilbaum( $D.G, j$ )
7   $C.G \leftarrow$  Entferne( $C.G, j$ )
8   $C.G \leftarrow$  Einfügen( $C.G, j, Baum'$ )
9   $D.G \leftarrow$  Entferne( $D.G, i$ )
10  $D.G \leftarrow$  Einfügen( $D.G, i, Baum$ )
11 return  $C, D$ 
```

Typische Probleme

Größe der Bäume

- können theoretisch beliebig wachsen
- daher oft: maximale Größe oder Baumtiefe vorgegeben
- führt bei Rekombination zu Iterationen

Typkonsistenz

- Annahme: alle Funktionen haben identischen Rückgabetypen
- gilt nur im akademischen Umfeld!
- Typkonsistenz muss zusätzlich beachtet werden

GP-Mutationen

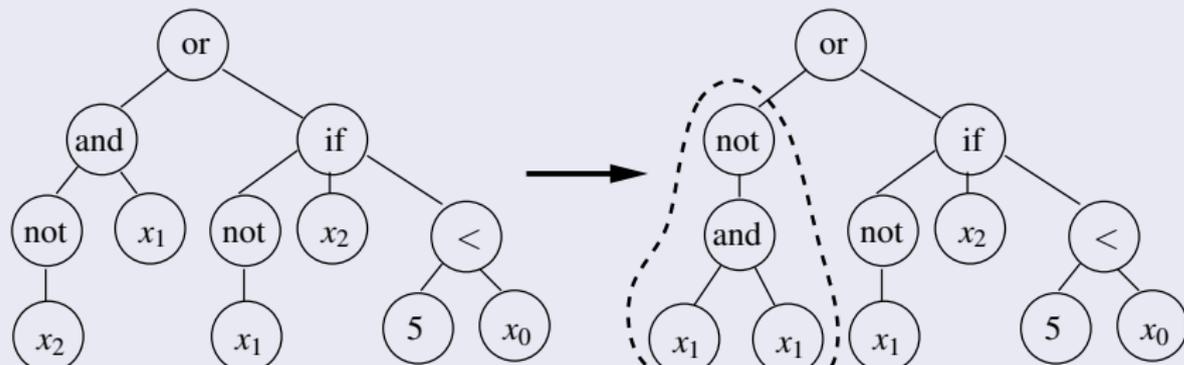
Zufallsbaum

ZUFALLSBAUM-MUTATION(Individuum A)

- 1 $i \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\{1, \dots, \text{Größe}(A.G)\})$
- 2 $B \leftarrow A$
- 3 $B.G \leftarrow$ Entferne($B.G, i$)
- 4 $Baum \leftarrow$ Erzeugebaum()
- 5 $B.G \leftarrow$ Einfügen($B.G, i, Baum$)
- 6 **return** B

GP-Mutationen

Zufallsbaum: Beispiel



GP-Mutationen

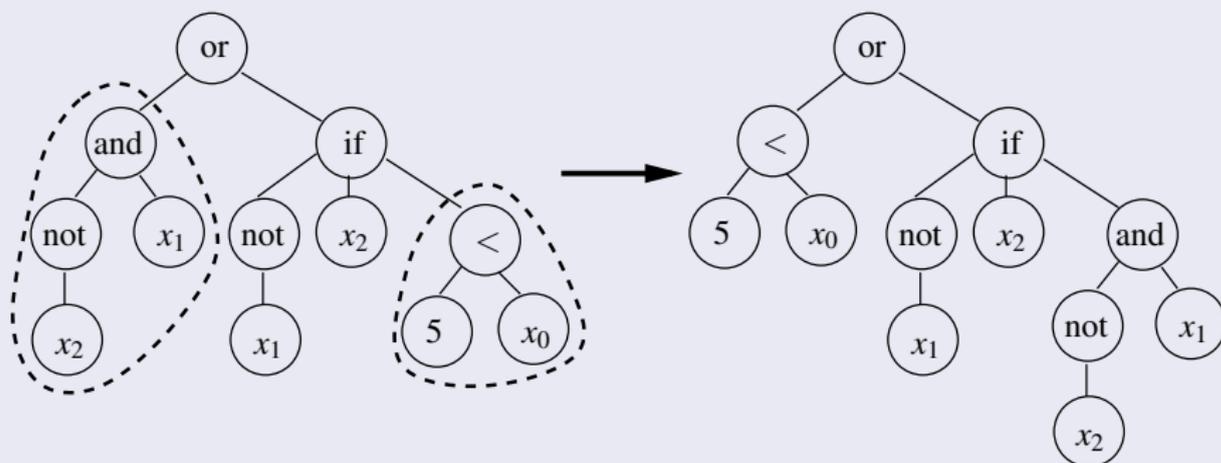
Interne Rekombination

BAUMTAUSCH-MUTATION(Individuum A)

- 1 **repeat** $\lceil i \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\{1, \dots, \text{Größe}(A.G)\})$
- 2 $\lfloor j \leftarrow$ wähle zufällig gemäß $U(\{1, \dots, \text{Größe}(A.G)\})$
- 3 **until** $\neg \text{Enthalten}(A.G, i, j) \wedge \neg \text{Enthalten}(A.G, j, i) \wedge (j > i)$
- 4 $B \leftarrow A$
- 5 $Baum \leftarrow \text{Teilbaum}(B.G, j)$
- 6 $B.G \leftarrow \text{Entferne}(B.G, j)$
- 7 $Baum' \leftarrow \text{Teilbaum}(B.G, i)$
- 8 $B.G \leftarrow \text{Entferne}(B.G, i)$
- 9 $B.G \leftarrow \text{Einfügen}(B.G, i, Baum)$
- 10 $B.G \leftarrow \text{Einfügen}(B.G, j - \text{Größe}(Baum') + \text{Größe}(Baum), Baum')$
- 11 **return** B

GP-Mutationen

Interne Rekombination: Beispiel



Initialisierung

... der Individuen

- bis Tiefe $mtief$ „wachsen“ lassen
- vollständiger Baum mit Tiefe $mtief$

... der Population

- erwünscht: Strukturvielfalt
- $2 \cdot mtief$ Teile der Population
- Tiefe: $1, \dots, mtief$
- Verfahren: wachsen, vollständig

Parameterwerte

Parameter	Wertebereich
Populationsgröße:	200–5000
Rekombination/Mutation/Klonen:	80/10/10

Beispiel: Regression

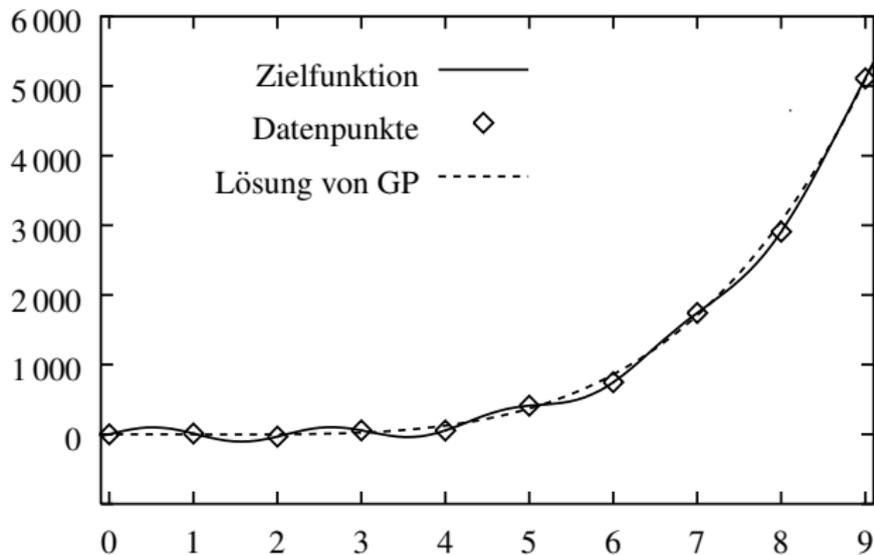
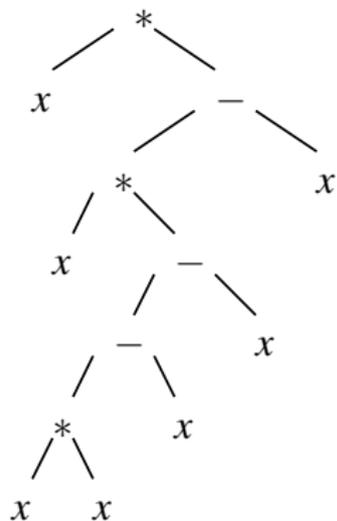
Ziel

- anzunähern ist: $x^4 - 2x^3 - x^2 - x + 100 \sin(3x)$
- gegeben: Werte an den Stützstellen $\{0, 1, \dots, 9\}$

Algorithmus

- Terminal: x
- Funktionen: $\{*, +, -, \%\}$
- Populationsgröße: 500
- Generationen: 200

Ergebnis



Überblick

- 1 Genetische Algorithmen
- 2 Evolutionsstrategie
- 3 Evolutionäres Programmieren
- 4 Genetisches Programmieren
- 5 Lokale Suchverfahren**

Grundalgorithmus

LOKALE-SUCHE(Zielfunktion F)

```

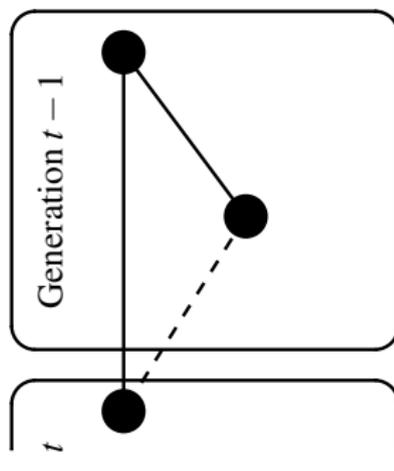
1   $t \leftarrow 0$ 
2   $A(t) \leftarrow$  erzeuge Lösungskandidat
3  bewerte  $A(t)$  durch  $F$ 
4  while Terminierungsbedingung nicht erfüllt
5  do  $\lceil B \leftarrow$  variiere  $A(t)$ 
6      bewerte  $B$  durch  $F$ 
7       $t \leftarrow t + 1$ 
8      if  $A_{kz}(A(t-1).F, B.F, t)$  (Akzeptanzbedingung)
9          then  $\lceil A(t) \leftarrow B$ 
10          $\lfloor$  else  $\lceil A(t) \leftarrow A(t-1)$ 
11 return  $A(t)$ 

```

Ablauf

Identität als
Elternselektion
und Mutation

Akzeptanz-
kriterium



Hillclimbing

Idee

- nur Verbesserungen werden akzeptiert

Algorithmus

AKZEPTANZ-HC(Elterngüte $A.F$, Kindgüte $B.F$)
1 **return** $B.F \succ A.F$

Simulated Annealing

Idee

- Verbesserungen immer akzeptieren
- Verschlechterungen mit einer Wahrscheinlichkeit
 - umso geringer je größer die Verschlechterung
 - abnehmend mit voranschreitender Zeit
$$(Temp_{t+1} = Temp_t \cdot \alpha)$$

Algorithmus

AKZEPTANZ-SA(Elterngüte $A.F$, Kindgüte $B.F$)

```

1  if  $B.F \succ A.F$ 
2  then  $\square$  return wahr
3  else  $\lceil u \leftarrow$  wähle zufällig aus  $U([0, 1])$ 
4      if  $u \leq \exp\left(-\frac{d_{euk}(A.F, B.F)}{Temp_{t-1}}\right)$ 
5      then  $\square$  return wahr

```

Schwellwertakzeptanz

Idee

- Verbesserungen immer
- Verschlechterungen kleiner als ein Schwellwert
- Schwellwert nimmt analog zu Simulated Annealing ab

Algorithmus

AKZEPTANZ-TA(Elterngüte $A.F$, Kindgüte $B.F$)

- 1 **if** $B.F \succ A.F$ oder $d_{euk}(A.F, B.F) \leq Temp_t$
- 2 **then** \square **return** *wahr*
- 3 **else** \square **return** *falsch*

Sintflutalgorithmus

Idee

- „ansteigender“ Wasserpegel (Gütebereich), der nicht betreten werden darf
- ansonsten: alles erlaubt

Algorithmus

AKZEPTANZ-GD(Elterngüte $A.F$, Kindgüte $B.F$)

- 1 **if** $B.F \succ W$ (Anfangswasserstand) $+ t \cdot R$ (Regengeschwindigkeit)
- 2 **then** \square **return** *wahr*
- 3 **else** \square **return** *falsch*

Rekordorientiertes Wandern

Idee

- erlaubte Verschlechterung wird auf das beste bisher gefundene Individuum bezogen
- sonst wie Schwellwertakzeptanz

Algorithmus

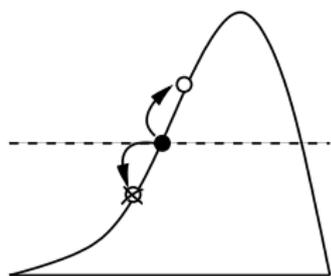
AKZEPTANZ-RR(Elterngüte $A.F$, Kindgüte $B.F$, beste gefundene Gü

```

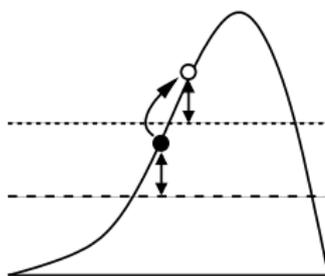
1  if  $B.F \succ besteF$ 
2  then  $\lceil besteF \leftarrow B.F$ 
3       $\lfloor$  return  $wahr, besteF$ 
4  else  $\lceil$  if  $d_{euk}(B.F, besteF) < Temp_t$ 
5       $\lfloor$  then  $\lceil$  return  $wahr, besteF$ 
6  return  $falsch, besteF$ 

```

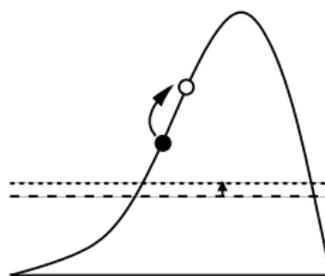
Vergleich



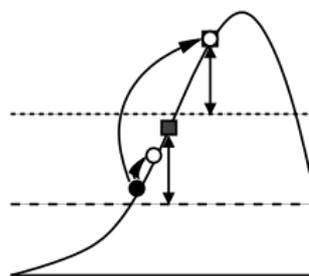
Hillclimbing



Schwellwertakzeptanz



Sintflut-Algorithmus



Rekordorientiertes Wandern